

ポスターセッション

*筆頭著者名を表記しています。

- P-01** 細胞質における母性タンパク質 NLRP5 による UHRF1 の安定化：マルチローカスインプリンティング異常症の病態機序解明に向けて
鵜木 元香（東京大学大学院 医学系研究科）
- P-02** Spm トランスポゾンが持つ新規脱抑制機構
佐々木 卓（東京大学農学部）
- P-03** CDCA7 のジンクフィンガードメインに依存した、クロマチンリモデリング酵素 HELLS-CDCA7 タンパク質複合体の活性化
新海 暁男（理化学研究所研究所 開拓研究本部 眞貝細胞記憶研究室）
- P-04** マウス初期胚において CpG アイランドの H3K27 メチル化は JARID2-PRC2 により新規確立される
ショートトーク
6月14日(金)
松若 正篤（理化学研究所 生命医科学研究センター）
- P-05** マウス着床前初期胚発生過程における DNA 複製タイミングの解析
中谷 庸寿（Institute of Epigenetics and Stem Cells, Helmholtz Munich, Munich, Germany）
- P-06** 胃癌臨床検体におけるエンハンサー領域の層別化と網羅的 DNA メチル化解析
岡田 朋香（千葉大学大学院 医学研究院 分子腫瘍学）
- P-07** ヒト及びマウス大脳神経幹細胞における Commd3-Bmi1 遺伝子座位の構造的・機能的種差の同定
西田 壮汰（広島大学大学院統合生命科学研究科）
- P-08** ヒストン修飾 H3K4me2 による抑制的クロマチン修飾の制御
野寄 拓海（東京大学大学院理学系研究科生物科学専攻）
- P-09** 哺乳類以外の脊椎動物の初期発生において、細胞周期調節機構がヒストン修飾のリプログラミングを制御する
福嶋 悠人（理化学研究所 生命医科学センター、東京大学 理学系研究科 生物科学専攻）
- P-10** HDAC 依存的エンハンサーによる乳がん関連遺伝子の転写制御機構
立和名 博昭（がん研究会がん研究所 がん生物部）
- P-11** Characterizing Type 2 Diabetes-Associated Metabolic Memory in Dynamic DNA Methylation
林 冠均（Institute of Plant and Microbial Biology, Academia Sinica, Taipei, Taiwan, Genome and Systems Biology Degree Program, Academia Sinica and National Taiwan University, Taipei, Taiwan）
- P-12** イヌ全血のゲノムワイド DNA メチル化解析と自然言語処理手法を用いた CpG アイランド配列の特徴量化
中村 みゆき（KDDI 総合研究所）
- P-13** ヘテロクロマチンタンパク質 HP1 に対する低分子阻害薬の同定
徳山 あかり（大阪大学産業科学研究所）
- P-14** ポリコーム PRC2 を標的とした H3K27me3 の抑制を基盤とする新規併用治療法の開発
竹信 尚典（埼玉県立がんセンター臨床腫瘍研究所）
- P-15** LINC02154 は口腔扁平上皮がんにおいて細胞周期関連遺伝子とミトコンドリア関連遺伝子を制御する
新沼 猛（札幌医科大学 医学部 分子生物学講座）

- P-16** XIST 非依存的な不活性 X 染色体のクロマチン構造とエピゲノムの維持機構
松井 廉 (大阪大学大学院理学研究科生物科学専攻)
- P-17** 転写活性化状態における遺伝子周辺の粘性上昇が エンハンサーとプロモーターの接触時間を延長させる
大石 裕晃 (九州大学・生体防御医学研究所・遺伝子発現動態学分野)
- P-18** His 残基メチル化酵素 Mettl18 欠損マウスは高血糖を示す
島津 忠広 (理化学研究所・眞貝細胞記憶研究室)
- P-19** ProteinMPNN を用いたヒストン修飾特異的な遺伝子コード型プローブ mintbody の設計
前島 大樹 (東京工業大学 生命理工学院 生命理工学系)
- P-20** ヒストンのアセチル化が遺伝子転写を活性化する仕組み
梅原 崇史 (理化学研究所 生命機能科学研究センター エピジェネティクス制御研究チーム)
- P-21** ヒストンメチル化酵素 Cnr4 の天然変性領域は基質認識と活性制御に関与する
中村 凜子 (基生研、総研大生命科学)
- P-22** Chromodomain Y-like 2 (Cdy12) はマウス ES 細胞において H3K9me3 の維持に関わっている
服部 奈緒子 (星薬科大学先端生命科学研究所エピゲノム創薬研究室)
- P-23** ミエリン構成タンパク質 MBP のエピゲノム修飾因子としての可能性
松尾 和哉 (熊本大学 発生医学研究所)
- P-24** HBV 感染系を用いたヒストン修飾および HBV ゲノムと宿主細胞ゲノムとの相互作用の解析
込山 大智 (千葉大学大学院医学研究院分子腫瘍学)
- P-25** エピジェネティックに制御される *IMD2* 遺伝子のメカニズム解明
横澤 拓馬 (福井大学 工学研究科 生物応用化学専攻)
- P-26** 高速超解像顕微鏡と機械学習を組み合わせた画像にもとづくエピゲノム解析
Ab Ghani Nur Syatila (産業技術総合研)
- P-27** 妊娠期に無機ヒ素曝露を受けた仔世代マウスにおける A 型精原細胞の網羅的 DNA メチル化解析
鈴木 武博 (国立環境研究所 環境リスク・健康領域)
- P-28** 反復配列に引き起こされる哺乳類異所的高次クロマチン形成系の構築と解析
白井 温子 (理研・眞貝細胞記憶研究室)
- P-29** ポリコーム群 CBX7-PRC1 と variant PRC1 の協調と拮抗によって多能性幹細胞の自己複製と分化のバランスが制御される
遠藤 充浩 (熊本大学発生医学研究所)
- P-30** マウス精子変態における Lamin の役割は何か：精子変態特異的な Lamin の機能解明
飯塚 瑞歩 (東京理科大学)
- P-31** EpigenomeChef：エピゲノム情報を自動的に統合解析するアプリケーションの開発
衛藤 貫 (熊本大学発生医学研究所細胞医学分野)
- P-32** 単一細胞マルチエピゲノミクスによる細胞系譜解析とクロマチンダイナミクスの擬似時間追跡
藤井 健 (九州大学 生体防御医学研究所)
- P-33** NSD1 ヘテロ欠損が胎仔・新生仔に与える影響
一丸 (首浦) 武作志 (佐賀大学医学部分子生命科学講座分子遺伝学・エピジェネティクス分野)

- P-34** 口腔がんにおける悪性化関連遺伝子群転写抑制機構の解明
丹下 正一郎 (札幌医科大学医学部付属がん研究所 ゲノム医科学部門)
- P-35** ゲノム刷り込みにおける受精後メチル化活性の普遍性の検証
森橋 美月 (筑波大院・理工情報生命)
- P-36** H3K27 のクロトニル化修飾による遺伝子発現抑制機構の構造基盤
小沼 剛 (横浜市立大学)
- P-37** 骨格筋におけるヒスチジンメチル化酵素の影響
五輪 愛未 (理化学研究所)
- P-38** ヌクレオソームの安定性は細胞の形質安定性およびストレス抵抗性に貢献する
田中 宏 (Sanford Burnham Prebys Medical Discovery Institute)
- P-39** Identification of PROTACs for histone methyltransferase G9a
Mukherjee Anirban (SANKEN, Osaka University, JAPAN)
- P-40** スピンラベル ESR によるヘテロクロマチンタンパク質 HP1 の動的構造研究
末武 勲 (中村学園大学)
- P-41** Trim28 の欠損はマウス心筋細胞で脂肪酸代謝遺伝子の発現を低下させる
小山 恭平 (旭川医科大学 外科学講座 心臓大血管外科学分野)
- P-42** RADIP 法を用いた H3K27me3 修飾を介する RNA-クロマチン相互作用の解析
加藤 雅紀 (理研 IMS トランスクリプトーム研究チーム)
- P-43** G1 期における核内コンパートメント構築は DNA 複製制御に不可欠である
大字 亜沙美 (理化学研究所 BDR 発生エピジェネティクス研究チーム)
- P-44** ヒトとマウスの細胞におけるヒストン H3K27 メチル化動態の違い
岩谷 優音 (理化学研究所 眞貝細胞記憶研究室)
- P-45** 分裂酵母の胞子におけるヒストン修飾の網羅的解析
林 亜紀 (基礎生物学研究所・クロマチン制御)
- P-46** CRISPRa 法を用いた *EHMT1* 転写活性化によるクリーフストラ症候群治療法の開発
山田 亜夕美 (理化学研究所 眞貝細胞記憶研究室)
- P-47** ヒストン H2A の O-GlcNAc 修飾は脱メチル化 KDM5B の転写調節を介してトリプルネガティブ乳がんの増殖能を促進する
鷗野 耀子 (岡山理科大学獣医学部獣医学科)
- P-48** CDCA7 のジンクフィンガードメインに依存した、DNA 複製とカップルして形成されたヘテロクロマチンへの HELLS-CDCA7 の集積
志村 知古 (理化学研究所 開拓研究本部 眞貝細胞記憶研究室)
- P-49** 生細胞における lncRNA HOTAIR とクロマチンの時空間的関連
LIAO MAN KIT (東京工業大学 生命理工学系 生命理工学コース)
- P-50** ELEANOR2 ノンコーディング RNA は ESR1 遺伝子座でのメディエーター-クロマチン相互作用を促進する
パルハット マルダン (がん研究会がん研究所 がん生物部)
- P-51** ヒト Alu SINE の発現制御機構
一柳 健司 (名大・院生命農学)
- P-52** HP1 結合タンパク質 PRR14 は分裂期の染色体形成の進行に寄与する
御勢 涼葉 (大阪大学大学院理学研究科生物科学専攻)

- P-53** DNA メチル化フットプリンティングによるエピゲノム計測
三浦 史仁 (東京大学大学院新領域創成科学研究科)
- P-54** Dnmt3a によるグローバル DNA メチル化の増加は、骨格筋の恒常性を破綻させ、加齢性筋萎縮を促進し、骨格筋の代謝弾性を低下させる
大藪 葵 (京都府立大学大学院生命環境科学研究科)
- P-55** マラリア原虫におけるヘテロクロマチン維持機構の解析
森 稔幸 (東京女子医科大学)
- P-56** メチル化合成致死: SMARCA1 メチル化とピリミジン合成阻害
竹島 秀幸 (星薬科大学 先端生命科学研究所 エピゲノム創薬研究室)
- P-57** 核ラミナ構成因子による高次クロマチン制御機構の構造解析
堀越 直樹 (東京大学定量生命科学研究所クロマチン構造機能研究分野)
- P-58** マウス性決定における鉄の役割
岡下 修己 (大阪大学大学院生命機能研究科)
- P-59** 一細胞解像度 3D 免疫染色によるイネ茎頂メリステムのエピジェネティック修飾解析
森下 友梨香 (名大院・生命農学)
- P-60** ヒト転写開始点情報を利用したウサギのコアプロモータ領域の特定
青砥 早希 (国立成育医療研究センター)
- P-61** アデノウイルス protein VII による HMGB1 を介したクロマチン構造への影響
塚田 耕太郎 (東京大学定量生命科学研究所クロマチン構造機能研究分野)
- P-62** SOX2 による LIN28B ヌクレオソーム結合メカニズムの解明
越後谷 健太 (東京大学、定量生命科学研究所、クロマチン構造機能研究分野)
- P-63** ナノポアシーケンサを用いた複数 RNA 修飾の同時検出法の開発
上田 宏生 (東大・先端研・先端データサイエンス)
- P-64** X 染色体不活性化における WTAP の役割
佐渡 敬 (近畿大学大学院農学研究科バイオサイエンス専攻, アグリ技術革新研究所)
- P-65** LTR 介在型転写産物の種間比較による ZDBF2 遺伝子のインプリンティング起源の探索
小林 久人 (奈良県立医科大学)
- P-66** NGS をベースとしたエピジェネティック解析における Spike-in 標準化法の評価
富樫 和也 (アクティブ・モティブ株式会社)
- P-67** クライオ電子顕微鏡によるヒストン H3 の脱ユビキチン化における USP7 の構造変化の解析
中村 菜緒 (横浜市立大学大学院 生命医科学研究科)
- P-68** オープンクロマチン領域により反映される幼少期のエピゲノム可塑性
Liu Yuyu (星薬科大学 エピゲノム創薬研究室)
- P-69** シロイヌナズナ自然集団におけるエピジェネティックなセントロメア多様性の探索
山口 颯太 (東京大学大学院 理学系研究科 生物科学専攻)
- P-70** BioID 法によるヒストン脱メチル化酵素 JMJD1A 相互作用タンパク質の同定
黒木 俊介 (大阪大学)
- P-71** 悪性胸膜中皮腫における DNA 修飾の異常
劉 文蘇 (東京大学 先端科学技術研究センター)

- P-72** 鉄が制御する脂肪細胞分化のエピゲノム機構
鈴木 智大 (群馬大学生体調節研究所代謝エピジェネティクス分野)
- P-73** 認知機能に影響するエピゲノム因子の一卵性双生児を対象とした解析
米田 真菜 (大阪大学大学院医学系研究科保健学専攻生体病態情報科学講座)
- P-74** 一卵性双生児を対象とした月経困難症に影響するエピゲノム因子の解明
鴻野 天音 (大阪大学大学院医学系研究科保健学専攻生体病態情報科学講座)
- P-75** グアニン四重鎖を形成するリピート伸長病「小脳性運動失調・ニューロパチー・前庭反射消失症候群 (CANVAS)」のエピゲノム解析
工藤 健太 (熊本大学 発生医学研究所 ゲノム神経学分野)
- P-76** クロマチンリモデリング因子の活性化因子 CDCA7 のヘミメチル化 DNA 認識機構の解明
蛭田 萌理 (横浜市大・生命医科学)
- P-77** マクロファージは脂質代謝を介して炎症刺激を記憶する
洪 性賢 (熊本大学発生医学研究所細胞医学分野)
- P-78** YEATS ドメインを用いた FRET プローブによる新規 GAS41 阻害剤の評価
佐々木 和樹 (理化学研究所環境資源科学研究センターケミカルゲノミクス研究グループ)
- P-79** ヒストン H3 Lys27 トリメチル化を介したオオムギの芒形成機構
中村 光希 (岡山大学 環境生命科学研究所)
- P-80** リジン脱メチル化酵素 KDM7A は線維化促進型 M2 マクロファージ極性化のエピジェネティックブレーキとして働く
古賀 友紹 (熊本大学発生医学研究所細胞医学分野)
- P-81** 網羅的に cis-NATs を同定できる独自プログラム CCIVR の開発
大畑 樹也 (浜松医科大学 医学部 分子生物学講座)
- P-82** 核内高次構造を紐解くヒト非膜構造体の体系的同定
小林 慎 (産業技術総合研究所)
- P-83** ヒストン脱メチル化酵素 JMJ26 のトランスポゾン標的機構の解析
亀谷 博就 (東京大学大学院 理学系研究科 生物科学専攻)
- P-84** シロイヌナズナのトランスポゾン特異的抑制修飾の確立におけるエピゲノム修飾間クロストーク
小田 頌子 (東京大学 理学系研究科 生物科学専攻、東京工業大学 生命理工学院)
- P-85** ナノポアシーケンシングによる明らかにしたヒト中皮腫ゲノム及びエピゲノム異常
陳 イクアン (東京大学・先端研・ゲノムサイエンス)
- P-86** ロングリードシーケンサーを用いた大細胞神経内分泌がんのゲノム・エピゲノムのランドスケープ
大塚 佳輝 (東京大学大学院 新領域創成科学研究科 メディカル情報生命専攻)
- P-87** ナノポアシーケンサーと深層学習を用いた m6A RNA 修飾の網羅的な解析
余 柏毅 (東大先端研 先端データサイエンス)
- P-88** H3K9 メチル化による 2 細胞期遺伝子の発現抑制機構
前田 亮 (大阪大学 大学院生命機能研究科)
- P-89** ヒストン修飾変化を検出するマルチカラー染色パネルの構築と検証
神平 梨絵 (早稲田大学大学院先進理工学研究科化学・生命化学専攻)

- P-90** CCR4-NOT 複合体が siRNA 産生を促進し、セントロメアのエピゲノムを維持する
島田 篤 (沖縄科学技術大学院大学)
- P-91** ゼブラフィッシュで初めて発見されたエピ変異
ショートのーク
6月13日(木) 下田 修義 (国立長寿医療研究センター)
- P-92** 内在性ヒストン模倣タンパク質の生理的意義の解明
ショートのーク
6月14日(金) 高島 謙 (熊本大学大学院生命科学研究部免疫学講座)
- P-93** コケ植物の受精卵におけるクロマチンを介したチェックポイント機構
ショートのーク
6月13日(木) 久永 哲也 (グレゴールメンデル研究所)
- P-94** 細胞年齢の制御に向けて
福田 幹子 (京都大学 iPS 細胞研究所)
- P-95** CDCA7 と HELLS の DNA メチル化とクロマチンリモデリングにおける役割
洪 欣 (東京大学医科学研究所 癌・細胞増殖部門癌防御シグナル分野)
- P-96** 網羅的 DNA メチル化情報の再解析により同定された NSD2 新規病的バリエーションとその神経系に及ぼす影響
木下 史織 (国立成育医療研究センター研究所 周産期病態研究部)
- P-97** シングルセルマルチオーム解析活用による神経幹細胞の発生段階依存的なクロマチン動態制御機構の解析
魚津 孝允 (九州大学大学院医学研究院基盤幹細胞学分野)
- P-98** 新規 LSD1 阻害剤の開発と脳腫瘍治療への応用
新城 恵子 (名古屋大学 大学院医学系研究科 腫瘍生物学)