

ポスターセッション

* 筆頭著者名を表記しています。

- P-1** 生殖細胞発生と胚発生のための幹細胞クロマチンプライミング
富澤 信一 (横浜市立大学医学部組織学)
- P-2** BOD1Lはヒストンメチル化酵素SETD1Aのクロマチン結合と白血病進展を促進する
星居 孝之 (千葉大学大学院医学研究院分子腫瘍学)
- P-3** ナノポアシーケンシングを使用したDNA 5-ヒドロキシメチルシトシンの検出
劉 文蘇 (東京大学 先端科学技術研究センター)
- P-4** 核内における高次クロマチン形成の構造基盤
堀越 直樹 (東京大学定量生命科学研究科クロマチン構造機能研究分野)
- P-5** 遺伝子発現制御領域のDNAメチル化網羅的解析によるヒト胃癌層別化
岡田 朋香 (千葉大学大学院 医学研究院 分子腫瘍学)
- P-6** SETD5-NCOR-HDAC3複合体の時空間動態はエンハンサー活性化と脂肪細胞分化を制御する
松村 欣宏 (東北大学大学院医学系研究科 分子代謝生理学分野)
- P-7** DNAメチル化の加速とエピゲノム景観の変化を伴う腸上皮化生の前癌性
竹内 千尋 (星薬科大学先端生命科学研究科エピゲノム創薬研究室)
- P-8** タンパク質ヒスチジン残基メチル化修飾によるスプライシング制御
島津 忠広 (理化学研究所・眞貝細胞記憶研究室)
- P-9** メチル化合成致死: 胃がんにおけるCHFRメチル化とKRAS阻害
竹島 秀幸 (星薬科大学 先端生命科学研究科 エピゲノム創薬研究室)
- P-10** アレル特異的iChIP-SILAC解析によるp16INK4A遺伝子CpGメチル化制御分子の同定
藤田 敏次 (弘前大学大学院医学研究科 ゲノム生化学講座)
- P-11** TETとTDGによるDNAシトシン脱メチル化反応と免疫・血液疾患
小野寺 淳 (千葉大学大学院医学研究院免疫発生学)
- P-12** マウス卵および初期胚におけるH3K27me2の動態
松若 正篤 (理化学研究所IMS, 東京都立大学)
- P-13** エピジェネティック制御による水平移行DNAの自己遺伝子化
中屋敷 均 (神戸大学大学院農学研究科)
- P-14** クロマチンリモデリング酵素HELLSと複合体を形成するCDCA7タンパク質の機能ドメインの同定
新海 暁男 (理化学研究所 開拓研究本部 眞貝細胞記憶研究室)
- P-15** マラリア原虫における配列依存的ヘテロクロマチン化
森 稔幸 (東京女子医科大学公衆衛生学分野グローバルヘルス部門)
- P-16** リジン脱メチル化酵素LSD1は骨格筋において、環境ストレスに対する筋線維型選択的な応答を規定する
荒木 裕貴 (熊本大学 発生医学研究所 細胞医学分野)

- P-17** 多発性骨髄腫においてDOT1L阻害は自然免疫シグナルを活性化する
石黒 一也 (札幌医科大学医学部分子生物学講座)
- P-18** HBV感染肝細胞におけるエピゲノムおよびクロマチン相互作用の解析
込山 大智 (千葉大学大学院医学研究院分子腫瘍学)
- P-19** ホルマリン固定パラフィン包埋標本からの空間メチローム解析
三浦 史仁 (九州大学大学院医学研究院)
- P-20** ウイルス-ホストゲノム相互作用によるヘテロクロマチン構造の異常活性化
ショートトーク
6月20日(火) 岡部 篤史 (千葉大学大学院医学研究院分子腫瘍学)
- P-21** ヒトマラリア原虫における生殖分化マスター転写因子AP2-G遺伝子のヘテロクロマチン化による制御システムの解明
中嶋 舞 (大阪大学微生物病研究所)
- P-22** BWS様表現型を伴う母性H19-ICRの異常高メチル化を引き起こす責任配列の探索
原 聡史 (佐賀大学医学部 分子生命科学講座 分子遺伝学・エピジェネティクス分野)
- P-23** がんエピゲノム操作と転写制御が可能な化学触媒の開発
ショートトーク
6月19日(月) 川島 茂裕 (東京大学大学院薬学系研究科)
- P-24** ヒストンメチル化酵素GLPのクリーフストラ症候群変異の機能的検証—GLPの酵素活性の重要性を示唆
山田 亜夕美 (理化学研究所 開拓研究本部 眞貝細胞記憶研究室)
- P-25** mRNA-Creを封入したLNPによる肝臓特異的ノックアウトマウスの作製法
森田 純代 (群馬大学生体調節研究所附属生体情報ゲノムリソースセンター)
- P-26** Sotos症候群モデルマウスの樹立と表現型解析
東元 健 (富山大学 生命科学先端研究センター)
- P-27** 魚類初期発生においてリプログラミングを免れるヒストン修飾は正常発生に重要な役割を持つ
ショートトーク
6月19日(月) 福嶋 悠人 (東京大学理学系研究科生物科学専攻)
- P-28** 非定型ICF症候群患者で同定されたUHRF1の新規複合ヘテロ接合性変異の解析
鵜木 元香 (東京大学 人類遺伝学分野)
- P-29** KMT2C/KMT2D (MLL3/MLL4) HISTONE METHYLTRANSFERASE ACTIVITY DEPENDENT CHROMATIN ORGANIZATION AT ENHANCERS DURING EMBRYONIC STEM CELL DIFFERENTIATION
久保 直樹 (九州大学 生体防御医学研究所 エピゲノム制御学分野)
- P-30** RNA脱メチル化酵素FTO阻害薬の創製
鈴木 孝禎 (大阪大学産業科学研究所)
- P-31** ヒストンH3のマルチモノユビキチン化の分子機構の解明に向けた修飾ヌクレオソームの調製
蛭田 萌理 (横浜市立大学院 生命医科学研究室 構造生物学研究室)
- P-32** 胃がん関連長鎖non-coding RNAはストレス顆粒形成とアポトーシスの阻害に関与する
北嶋 洋志 (札幌医科大学医学部分子生物学講座)

- P-33** 肝芽腫の統合解析によるエピジェネティック異常の解明と生存・増殖に重要な転写因子の同定
工藤 渉 (千葉大学大学院医学研究院分子腫瘍学)
- P-34** エピゲノム可塑性によるヘテロクロマチン維持機構
志村 知古 (国立研究開発法人理化学研究所 開拓研究本部 眞貝細胞記憶研究室)
- P-35** 子宮特異的Mettl14欠損は着床不全による不妊を誘発する
小林 良祐 (群馬大学 生体調節研究所 ゲノム科学リソース分野)
- P-36** UHRF1はマウス卵母細胞と着床前胚の正しい細胞質構築と機能に必要
上村 修平 (九州大学生体防御医学研究所エピゲノム制御学分野)
- P-37** SUMO化修飾を介したDNMT1-DNA架橋の修復機構
谷本 翔汰 (東京大学大学院 理学系研究科 癌防御シグナル分野 中西研究室)
- P-38** 精子核凝縮過程におけるクロマチンの動態解析
羽田 政司 (東京大学 定量生命科学研究所 病態発生制御研究分野)
- P-39** *IMD2* 遺伝子を用いた「記憶」のメカニズム解明
横澤 拓馬 (福井大学 工学研究科 産業創成工学専攻)
- P-40** ヒストンのアセチル化はどのように伝播するのか?
梅原 崇史 (理化学研究所 生命機能科学研究センター)
- P-41** RADICL-IP-seq法を用いた機能的RNAの探索
ショートトーク
6月19日(月) 加藤 雅紀 (理研IMS トランスクリプトーム研究チーム)
- P-42** ヌクレオソーム安定性は細胞の形質安定性ならびにストレス抵抗性に影響する
田中 宏 (Sanford Burnham Prebys Medical Discovery Institute (USA))
- P-43** ゲノム網羅的HiChIP解析による胃がんの異常エンハンサー転写調節ネットワークの同定
朱 天慧 (千葉大学大学院医学研究院 分子腫瘍学)
- P-44** CD4+/CD8+ T細胞を用いたナルコレプシーの網羅的DNAメチル化解析とゲノム・トランスクリプトームデータとの統合的解析
嶋多 美穂子 (国立国際医療研究センター ゲノム医科学プロジェクト (戸山))
- P-45** YFP断片とintrabodyを利用した生細胞内におけるエピジェネティクス変化の観察法構築
ショートトーク
6月19日(月) 大室 有紀 (島津製作所基盤技術研究所バイオインダストリーユニットバイオグループ)
- P-46** メダカ初期胚におけるクロマチンループ構造の転写制御への寄与の解析
池田 森羅 (東京大学大学院理学系研究科生物科学専攻)
- P-47** エピゲノム編集によって樹立されたBeckwith-Wiedemann症候群モデルマウスの表現型解析
堀居 拓郎 (群馬大学 生体調節研究所 生体情報ゲノムリソースセンター)
- P-48** DPPA3によるUHRF1の機能制御の構造基盤
白石 奈央 (横浜市立大学 生命医科学研究科)
- P-49** 精子クロマチン体外再構成手法開発
姚 品碩 (東京大学定量生命科学研究所・病態発生制御研究分野)

- P-50** エピゲノム異常蓄積量の測定により発がんリスクを予測する:多施設共同前向き研究
山田 晴美(星薬科大学 先端生命科学研究所 エピゲノム創薬研究室)
- P-51** Cryo-EMによるDNMT1の新規活性化モチーフの発見
菊地 杏美香(横浜市立大学 大学院生命医科学研究科)
ショートトーク
6月19日(月)
- P-52** スピンラベルESR測定によるDNA存在下のHP1ヒンジ領域のダイナミクス解析
末武 勲(中村学園大学院栄養)
- P-53** ヒストンメチル化酵素G9aによるグロビンスイッチング調節機構の解明
高瀬 翔平(東京薬科大学)
- P-54** 反復配列に引き起こされる哺乳類異所的高次クロマチン形成系の構築と解析
白井 温子(国立研究開発法人 理化学研究所 眞貝細胞記憶研究室)
- P-55** 胚のCpGアイランドにおけるDNAメチル化制御配列のインシリコ探索
歐陽 允健(九州大学 生体防御医学研究所 エピゲノム制御学分野)
- P-56** 異なる位置のヘミメチル化サイトを含むヌクレオソームに対するUHRF1の結合と活性の変化
敷町 怜愛(横浜市立大学 大学院生命医科学研究科 構造生物学研究室)
- P-57** 去勢抵抗性前立腺がんにおけるコンパートメント変化と癌関連遺伝子の異常活性化
金岡 尚志(千葉大学大学院医学研究院 分子腫瘍学、千葉大学大学院医学研究院 泌尿器科学)
- P-58** セロトニントランスポーター遺伝子における加齢関連のDNAメチル化変化は高齢者の認知機能低下に影響する
柳田 悠太郎(熊本大学大学院生命科学研究部分子脳科学講座)
- P-59** 神経細胞におけるグアニン四重鎖による LINE1 転移制御メカニズムの解明
前田 康平(熊本大学 発生医学研究所 ゲノム神経学分野)
- P-60** 樹状細胞分化における*Irf8*エンハンサー群の協調機構
西山 晃(横浜市立大学大学院医学研究科免疫学)
- P-61** ブタ初代培養繊維芽細胞におけるCas9 誘導DNAメチル化編集によるFibrillin-1 CpG island shoreの脱メチル化
大和屋 健二(明治大学農学部生命科学科ゲノム機能工学研究室)
- P-62** Chromodomain Y-like 2 (Cdy12) はマウスES細胞において正確なH3K9me3パターン形成に関わっている
服部 奈緒子(星薬科大学先端生命科学研究所エピゲノム創薬研究室)
- P-63** 胃癌の進行を促進するH3K4メチルトランスフェラーゼの機能解析
寧 萌(千葉大学医学部分子腫瘍学)
- P-64** 高次脳機能・脳構造の構築に関わるゲノム刷り込み遺伝子の探索
堀家 慎一(金沢大学 疾患モデル総合研究センター)
- P-65** 長期間に渡るヒト一個体の老化で観察される遺伝子発現およびDNAメチル化変化
岡村 浩司(国立成育医療研究センター)

- P-66** ATR-X症候群における知的障害の要因となる多型ゲノム領域の解析
ショートトーク
6月20日(火) 土井 南季 (熊本大学 発生医学研究所 ゲノム神経学分野)
- P-67** Linking SNPs to genes: toward a functional understanding of SNPs in human complex traits
鈴木 裕香 (Institut Pasteur, Universite de Paris, Department of Computational Biology, Paris, F-75015 France)
- P-68** LSD1を標的とした脳腫瘍治療薬の開発
新城 恵子 (名古屋大学大学院医学系研究科 腫瘍生物学)
- P-69** 遺伝子発現変動とエピゲノム変化を自動的に解析するアプリケーションの開発
衛藤 貫 (熊本大学発生医学研究所細胞医学分野)
- P-70** 細胞種特異的にみられるH3K36me2のヘテロクロマチン局在
後藤 尚紀 (東京工業大学 生命理工学院 生命理工学系 生命理工学コース)
- P-71** ニューロンにおける維持型DNAメチル化酵素DNMT 1によるDNAメチル化・脱メチル化の制御
波平 昌一 (産業技術総合研究所バイオメディカル研究部門脳機能調節因子研究グループ)
- P-72** LINC02154は頭頸部扁平上皮がんにおいて細胞周期関連遺伝子とミトコンドリア関連遺伝子を制御する
新沼 猛 (札幌医科大学 分子生物学講座)
- P-73** HEY1::NCOA2をコアとした転写プログラムと軟骨分化攪乱機構
田中 美和 (公益財団法人 がん研究会 がん研究所 がんエピゲノムプロジェクト)
- P-74** 深層学習を用いた癌におけるm6A RNA修飾の網羅的な解析
余 柏毅 (東大先端研 生命データサイエンス)
- P-75** LTR介在型転写産物の種間比較によるZDBF2遺伝子のインプリンティング起源の探索
小林 久人 (奈良県立医科大学)
- P-76** 進化的に保存された長鎖非翻訳RNA ECONEXINによる大脳皮質の発生制御機構
渡辺 新也 (名古屋大学大学院医学系研究科 腫瘍生物学)
- P-77** ショウジョウバエ生殖系列の発生過程におけるヒストンラクチル化修飾の観察
林 良樹 (筑波大学・生存ダイナミクス研究センター)
- P-78** DNAメチル化維持および新規DNAメチル化におけるUHRF1の機能解析
山口 幸佑 (UMR7216, DNA Methylation Dynamics of Eukaryotic Genome)
- P-79** KRABジンクフィンガータンパク質による内在性レトロウイルスの制御を介した生殖細胞トランスクリプトーム形成
大塚 海 (東京理科大学 創域理工学部)
- P-80** Long-Read Bisulfite Sequencing
井野 雄貴 (九州大学大学院 医学研究院 医化学分野)
- P-81** Ssrp1型のFACTIはヘテロクロマチン形成領域に生じるエピジェネティックなゆらぎを強く抑制する
高畑 信也 (北海道大学大学院理学研究院化学部門)

- P-82** マウスの胎生期型から体細胞型へのDNA複製プログラムの切り替えは特殊な移行型S期を經由する
高橋 沙央里 (理化学研究所・生命機能科学研究センター)
- P-83** 幼少マウス胃粘膜のエピゲノム可塑性と脆弱性の解析
Liu Yu-Yu (星薬科大学 エピゲノム創薬研究室)
- P-84** マウスES細胞におけるHP1結合因子Rifによる遺伝子発現制御機構の解明
伊藤 仁将 (大阪大学大学院 理学研究科 生物科学専攻)
- P-85** RNA modification detection using nanopore sequencer
上田 宏生 (東大・先端研・生命データサイエンス)
- P-86** ツメガエル卵抽出液を用いたDNAメチル化制御因子CDCA7/HELLS複合体の解析
西山 敦哉 (東京大学医科学研究所癌細胞増殖部門癌防御シグナル分野)
- P-87** 一細胞解析による二方向性の分化を示すAFP産生胃がんの分化機構の解明
野中 綾 (東京大学 先端研 ゲノムサイエンス&メディシン)
ショートトーク
6月19日(月)
- P-88** Deep learning based end-to-end classification and modification detection of E.Coli tRNA using direct RNA sequencing
Dasgupta Bhaskar (東大・先端研・生命データサイエンス)
- P-89** ナノポアシーケンシングによる明らかにしたヒト中皮腫ゲノム及びエピゲノム異常
陳 イクアン (東京大学・先端研・ゲノムサイエンス分野)
- P-90** 分裂酵母CENP-Bは栄養状態に応答しrDNA領域において条件的ヘテロクロマチンの形成を調節する
常峰 悟 (北海道大学大学院理学研究院 化学部門 生物有機化学研究室)
- P-91** R-loop調節における長鎖非翻訳RNAの機能
鈴木 美穂 (名古屋大学大学院 医学研究科 腫瘍生物学)
- P-92** 分裂酵母の孢子におけるヒストン修飾の網羅的解析
林 亜紀 (基礎生物学研究所・クロマチン制御)
- P-93** サフランモドキ *Zephyranthes carinata* に含まれるヒストン修飾調節活性化化合物の探索
秋月 孝太 (早稲田大学先進理工学研究科化学・生命化学専攻中尾研究室)
- P-94** 神経幹細胞を用いたオリゴデンドロサイト分化誘導系の検討
内田 拓也 (早稲田大学大学院先進理工学研究科化学・生命化学専攻)
- P-95** DNAアデニンメチル化修飾はゾウリムシの有性生殖の開始に重要な役割を果たす
川口 隆之 (基礎生物学研究所クロマチン制御研究部門)
- P-96** 内在性DNAを介したミクログリア活性化によるレット症候群発症機構
中嶋 秀行 (九州大学 大学院医学研究院 基盤幹細胞学分野)
- P-97** DDM1によるクロマチンリモデリング活性の生化学・構造生物学的解析
越阪部 晃永 (東京大学・大学院理学系研究科・生物科学専攻)

- P-98** ランダム型X染色体不活性化モニタリングシステムの開発
越口 愛美 (産業技術総合研究所 細胞分子工学研究部門)
- P-99** ER結合領域のクロマチンアクセシビリティが低下している特徴的なER陽性乳がんの同定
糸川 昂平 (公益財団法人がん研究会NEXT-Gankenプログラム)
- P-100** 胃癌の肝細胞形質獲得に関わる転写制御異常の空間的マッピング
大澤 一太 (東京大学先端科学技術研究センター ゲノムサイエンス&メディシン分野)
- P-101** ナノポアシーケンサーを用いたがん組織の長鎖DNAメチル化修飾解析
永江 玄太 (東京大学先端科学技術研究センター・ゲノムサイエンス&メディシン分野)