

ポスターセッション

* 筆頭著者名を表記しています。

- P-1** ヒトおよびアカゲザルのプロモータ配列比較によるメチル化解析
青砥 早希 (国立成育医療研究センター)
- P-2** マウス卵子のDNMT3A依存DNAメチル化におけるH3K36me2, H3K36me3の役割
矢野 誠一 (九州大学生体防御医学研究所 分子機能制御学部門 エピゲノム制御学分野)
- P-3** DNAメチル化の加速とエンハンサー・プログラミングを伴う腸上皮化生の前癌性
竹内 千尋 (国立がん研究センター研究所エピゲノム解析分野)
- P-4** ARID1A機能異常がCIMPを誘発する
山田 晴美 (国立がん研究センター研究所 エピゲノム解析分野)
- P-5** グアニン四重鎖によるDNMT1の活性阻害機構の解明
菊地 杏美香 (横浜市立大学 生命医科学研究科)
- P-6** DNAアデニンメチル化修飾はゾウリムシの有性生殖の開始に重要な役割を果たす
ショートトーク
6月10日(金)
川口 隆之 (総研大生命科学、基礎生物学研究所)
- P-7** エピゲノム情報に基づく機械学習によるヒトiPS細胞の神経分化指向性の解明
関谷 麻杜 (宮崎大学獣医機能生化学研究室)
- P-8** DNAメチル化解析による加齢に伴う成体海馬ニューロン新生減少メカニズム解明の試み
岩本 昌和 (九州大学大学院医学研究院基盤幹細胞学分野)
- P-9** 誘導腸幹細胞の線維芽細胞からの直接誘導過程におけるエピジェネティックリモデリングの解析
堀澤 健一 (九州大学 生体防御医学研究所 器官発生再生学分野)
- P-10** 大規模検診コホートを用いた胃発癌リスク因子の探索と胃粘膜に蓄積したDNAメチル化の解析
臼井 源紀 (千葉大学大学院 医学研究院 分子腫瘍学、東京大学大学院 医学系研究科
人体病理学・病理診断学)
- P-11** Controlled epigenetic disturbances induce the senescence in cancer cells
山口 幸佑 (UMR7216, Paris-Diderot Univ., PAD team)
- P-12** ARID1Aドライバー変異によるDNAメチル化の異常蓄積ががん分子サブタイプの病態に与える影響
藤木 亮次 (千葉大学大学院医学研究院分子腫瘍学)
- P-13** 単一マーカー遺伝子のDNAメチル化レベルは、複数のドライバー遺伝子のメチル化を反映する
入江 宇大 (国立がん研究センター研究所 エピゲノム解析分野)
- P-14** 精神疾患患者死後脳におけるLINE-1プロモーターのDNAメチル化状態の検討
渡邊 理紗 (熊本大学大学院生命科学研究部 分子脳科学講座)
- P-15** メチローム解析によるアルツハイマー型認知症血液マーカーの探索
光森 理紗 (国立長寿医療研究センター)

- P-16** 一卵性双生児を対象としたメチル化率と遺伝子発現量の関連解析
加藤 志歩(大阪大学大学院医学系研究科保健学専攻生体病態情報科学講座)
- P-17** 両親性間葉性異形成胎盤におけるインプリントDMRのメチル化異常
青木 早織(佐賀大学医学部分子生命科学講座分子遺伝学・エピジェネティクス分野)
- P-18** エピゲノム編集によるDlk1-Dio3インプリントドメインでのDNAメチル化の機能解析
関田 洋一(北里大学理学部生物科学科幹細胞学講座)
- P-19** 慢性炎症に曝露した組織のシングルセル遺伝子発現・エピゲノム変化解析を目指したPaired-seq条件の最適化
竹島 秀幸(国立がん研究センター研究所・エピゲノム解析分野)
- P-20** ホルマリン固定パラフィン包埋組織からのメチローム解析の実現
三浦 史仁(九州大学大学院医学研究院)
- P-21** ナノポアシーケンサーによる全ゲノムバイオルファイトシークエンシング
井野 雄貴(九州大学大学院 医学研究院 医化学分野)
- P-22** 耐熱性DNA (cytosine-5)-methyltransferaseの認識配列の改変
林 真央(神奈川工科大学大学院 工学研究科 応用化学・バイオサイエンス専攻)
- P-23** 多重エピゲノム解析を実現する新しいメチル基転移酵素
三浦 史仁(九州大学大学院医学研究院)
- P-24** StellalはPrdm14の下流で生殖細胞のCGメチル化リプログラミングを促進する
歐陽 允健(九州大学 生体防御医学研究所 エピゲノム制御学分野)
- P-25** 基底状態ES細胞におけるDNA脱メチル化機構の解明
丸谷 美結(関西学院大学 理工学部 生命医化学科 関研究室)
- P-26** H19遺伝子のDNAメチル化と脂肪組織における遺伝子発現
櫻井 健一(千葉大学予防医学センター栄養代謝医学分野)
- P-27** ゼニゴケにおける植物型DNA脱メチル化酵素の機能解析
中村 光希(岡山大・院・環境生命)
- P-28** テロメア近傍におけるヘテロクロマチンにより制御される遺伝子の機能解析
綾野 貴仁(福井大・院工・生物化学、日本学術振興会・特別研究員)
- P-29** 出芽酵母を用いたH3K9メチル化酵素/HP1発現による遺伝子発現への影響解析
清水 泰希(理化学研究所)
- P-30** ヒストンメチル化酵素Clr4の活性制御機構の解析
中村 凜子(総研大生命科学、基生研)
- P-31** スピンラベルESRによるヘテロクロマチンタンパク質HP1の天然変性領域の動的構造研究
末武 勲(中村学園大院栄養)
- P-32** マウス卵および初期胚におけるH3K27me2の分布
松若 正篤(理化学研究所 生命医科学研究センター 代謝エピジェネティクスYCIラボ)

- P-33** クロモドメインタンパクCdyI2によるES細胞のH3K9me3パターン形成への関与
服部 奈緒子(国立がん研究センター研究所エピゲノム解析分野)
- P-34** セルトリ細胞におけるメス型遺伝子の抑制機構
前澤 創(東京理科大学 理工学部 応用生物科学科)
- P-35** スフェア特異的転写因子CDX1はヒストン修飾変化とともに幹細胞特異的な遺伝子発現を制御する
竹信 尚典(埼玉県立がんセンター 臨床腫瘍研究所)
- P-36** ヒストンメチル化酵素Setd8は網膜発生において網膜前駆細胞の増殖を制御する
石龍 悠(九州大学大学院医学研究院基盤幹細胞学分野)
- P-37** ヒストン修飾因子としてのWIND1転写因子の機能
岩瀬 哲(理研 環境資源科学)
- P-38** シロイヌナズナにおける転写と共に役した遺伝子内H3K4メチル化の脱メチル化機構
森 秀世(東京大学理学系研究科生物科学専攻)
- P-39** ソルビン酸により惹起されるヒストンリジンソルビル化修飾による遺伝子発現制御
清水 勇希(東薬大 生命科学)
- P-40** Setd8の発現低下は加齢に伴う神経幹細胞の機能低下に関与する
松原 周蔵(九州大学大学院医学研究院基盤幹細胞学分野)
- P-41** ヒストン脱メチル化酵素LSD1によるヒト胎児神経幹細胞のエネルギー代謝調節機構
室富 和俊(産業技術総合研究所 バイオメディカル研究部門)
- P-42** M2型マクロファージの極性化に関わるエピゲノム制御機構の解明
古賀 友紹(熊本大学 発生医学研究所 細胞医学分野)
- P-43** NSD2によるヌクレオソーム上H3 Lys36メチル化の構造基盤
仙石 徹(横浜市立大学医学部)
- P-44** ヒト子宮内膜がん細胞におけるKMT2変異の意義
小林 良祐(群馬大学生体調節研究所ゲノム科学リソース分野)
- P-45** ヒストンメチル化酵素SETD1Aは転写休止解除を介して白血病細胞のヘム生合成を制御する
星居 孝之(千葉大学大学院医学研究院分子腫瘍学)
- P-46** HDAC8分解誘導剤の創製
鈴木 孝穎(大阪大学産業科学研究所)
- P-47** HP1/FACTとLoz1が関わるadh1センス・アンチセンス転写切り替え制御機構
高畠 信也(北海道大学大学院理学研究院)
- P-48** テトラヒメナのゲノム削減は複数のHP1様タンパク質の協調的作用により制御される
片岡 研介(基礎生物学研究所、総合研究大学院大学)
- P-49** 非ヒストン性クロマチン因子HMGA2によるクロマチン凝集と神経幹細胞の運命制御
桑山 尚大(東京大学大学院薬学系研究科)

- P-50** 胃の噴門部および幽門部の腺管を特徴づけるエピジェネティック機構
宮嶋 望 (国立がん研究センター研究所エピゲノム解析分野)
- P-51** 転写におけるヌクレオソーム構造のダイナミクス
鯨井 智也 (東京大学定量生命科学研究所)
- P-52** クロマトソーム上での転写伸長機構に関する解析
平野 里奈 (東京大・定量生命科学研究所)
- P-53** A comprehensive multi-omics analysis reveals a pervasive role of cohesin binding sites in the dysregulation of cancer gene expression.
Wang Jiankang (東京大学定量生命科学研究所)
- P-54** PML bodyによる遺伝子転写制御の解明
栗原 美寿々 (北海道大学大学院薬学研究院)
- P-55** SmcHD1による不活性X染色体のH3K9me3の制御
市原 沙也 (近畿大学大学院農学研究科バイオサイエンス専攻)
- P-56** 癌ウイルス陽性バーキットリンパ腫におけるクロマチン構造異常の解析
岡部 篤史 (千葉大学大学院医学研究院分子腫瘍学)
- P-57** 全ゲノムCRISPRスクリーニングで明らかになったDNA複製因子の核内コンパートメント制御における役割
ショートトーク
6月9日(木)
大字 亜沙美 (理化学研究所 BDR 発生エピジェネティクス研究チーム)
- P-58** マウスの体細胞型DNA複製様式への切り替わりは4細胞期に開始する
高橋 沙央里 (理化学研究所・生命機能科学研究センター)
- P-59** 分裂酵母のmat領域におけるHP1/Swi6の機能解析
藤岡 拓生 (北海道大学 大学院総合化学院)
- P-60** 脈絡叢分泌性マイクロRNAによる成体海馬ニューロン新生制御
榊 佑介 (九州大学大学院医学研究院基盤幹細胞学分野)
- P-61** ヒト・チンパンジーiPS細胞分化系のトランスクリプトーム比較による神経幹細胞発生における機能的種差の推定
飽田 寛人 (広島大理生物)
- P-62** 長鎖非翻訳RNA ECONEXINによる胎生期神経分化制御メカニズムの解明
渡辺 新也 (名古屋大学医学系研究科 腫瘍生物学)
- P-63** R-loop調節における長鎖非翻訳RNA TUG1の機能
鈴木 美穂 (名古屋大学大学院 医学研究科 腫瘍生物学)
- P-64** 新規口腔扁平上皮がん関連lncRNAの同定と機能解析
新沼 猛 (札幌医科大学 分子生物学講座)
- P-65** RADICL-IP-seq法を用いたES細胞のbivalent領域に関わる機能的lncRNAの探索
加藤 雅紀 (理研IMS)

- P-66** 「作って調べる」セントロメアクロマチン
大関 淳一郎 (かずさDNA研究所 オミックス医科学研究室)
- P-67** *RTT109*の欠失による出芽酵母 *CUP1*アレイの伸長亢進
武居 宏明 (九州大学大学院 医学研究院 医化学分野)
- P-68** 解糖系によるショウジョウバエ始原生殖細胞の発生制御
林 良樹 (筑波大学・生存ダイナミクス研究センター)
- P-69** iPS細胞からのマーモセット生殖細胞発生
一丸 武作志 (実験動物中央研究所)
- P-70** *Ctbp1/2*の発現消失を起点とした胚性ゲノム活性化機構の解明
早川 奈緒 (関西学院大学 理工学部 生命医学科 関研究室)
- P-71** エピジェネティック制御因子 *Uhrf1*の卵母細胞と着床前胚の細胞質における新機能
上村 修平 (九州大学 生体防御医学研究所 エピゲノム制御学分野)
- P-72** ポリコーム群タンパク質の発現ダイナミクスと発生における意義
山田 夏実 (東京大学大学院薬学系研究科)
- P-73** F1ハイブリッド胚を利用したラット・マウスのインプリントーム比較解析
小林 久人 (奈良県立医科大学)
- P-74** 脂肪細胞分化誘導時に起こるDNA複製タイミング制御
山本 朝陽 (三重大学大学院 生物資源学研究科 分子細胞生物学研究室)
- P-75** 細胞の運命決定とリプログラミングへのDNA複製フォーク速度の影響
ショートトーク
6月9日(木)
中谷 康寿 (Institute of Epigenetics and Stem Cells, Helmholtz Zentrum München, München, Germany)
- P-76** 細胞のリプログラミングを用いたMMP遺伝子ファミリーの遺伝子発現制御の解析
片桐 沙紀 (国立成育医療研究センター、お茶の水女子大学)
- P-77** グリア細胞からニューロンへのリプログラミング効率を左右するパイオニア因子 *NeuroD1* の発現量
松田 花菜江 (九州大学医学研究院、基盤幹細胞学分野)
- P-78** リジン脱メチル化酵素 *LSD1*は骨格筋において環境ストレス応答性の適応限界を規定する
ショートトーク
6月10日(金)
荒木 裕貴 (熊本大学 発生医学研究所 細胞医学分野)
- P-79** c-JUNおよびYAP1を介したエンハンサー活性化は、ミトコンドリアストレスに関連した分泌表現型を誘導する
日野 裕子 (熊本大学発生医学研究所 細胞医学分野)
- P-80** S-アデノシルメチオニンの合成による組織老化の促進
林 良樹 (筑波大学生存ダイナミクス研究センター)
- P-81** 正常組織でDNAメチル化によりサイレンシングされる遺伝子Xは予後不良肺臓癌において発現亢進する
丹下 正一朗 (札幌医科大学医学部附属フロンティア医学研究所ゲノム医科学部門)

- P-82** KDM5AはRNAポリメラーゼIIリン酸化を促進し、MYC駆動性の転写を増強する
大口 裕人(熊本大学生命資源研究・支援センター)
- P-83** 新規LSD1阻害剤の開発と脳腫瘍に対する治療効果
新城 恵子(名古屋大学大学院医学系研究科 脳腫瘍生物学)
- P-84** DOT1L阻害は乳がん細胞のインターフェロンシグナルを活性化する
鈴木 拓(札幌医科大学医学部分子生物学講座)
- P-85** 慢性胃炎・胃がん関連長鎖non-coding RNAはストレス顆粒形成を促進し、アポトーシスを抑制する
北嶋 洋志(札医大・医・分子生物)
- P-86** 転写因子p53によるヌクレオソーム中のDNA配列認識機構の構造的研究
西村 正宏(東京大学定量生命科学研究所)
- P-87** エピゲノム変化に注目した網膜低酸素応答機構の解析
根尾 卓磨(福井大学 工学研究科 生物化学研究室、日本学術振興会 特別研究員)
- P-88** Mitochondrial respiratory complex I failure and cellular CoQ10 deficiency in PYURF KO HeLa cells
ファン チー(理研真貝細胞記憶研究室)
- P-89** 内在性DNAを介したミクログリア活性化によるレット症候群発症の可能性
中嶋 秀行(九州大学 大学院医学研究院 基盤幹細胞学分野)
- P-90** 大脳皮質神経幹細胞の発生段階依存的な性質変化を制御するエピジェネティック機構
中川 拓海(九州大学大学院医学研究院基盤幹細胞学分野)
- P-91** タンパク質ヒスチジンπ型メチル化酵素欠損マウスは胎生致死になる
島津 忠広(理化学研究所・真貝細胞記憶研究室)
- P-92** 耐熱性メチル化酵素M.ApeKIの固定化の条件検討
飯田 泰広(神奈川工科大学 応用バイオ科学科)
- P-93** 等温DNA增幅法を応用したメチル化・非メチル化DNAの選別法の開発
藤田 敏次(弘前大学大学院医学研究科 ゲノム生化学講座)
- P-94** シングルセル解析による、転写制御の全体像解明：高脂肪食負荷ラット肝臓について
竹内 史比古(国立国際医療研究センター)
- P-95** 遺伝子発現変動を自動的に可視化するRNA-seq統合解析ツールの開発
衛藤 貴(熊本大学発生医学研究所細胞医学分野)
- P-96** 単一細胞レベルでタンパク質の空間プロファイルする連續免疫染色法の開発
富松 航佑(九州大学生体防御医学研究所トランスクリプトミクス分野)
- P-97** エピゲノム編集マウス作製の効率化と作製支援
堀居 拓郎(群馬大学 生体調節研究所 生体情報ゲノムリソースセンター)