

プログラム 5月28日(火)

9:15～ 受付

9:55～ 開会挨拶

古関 明彦 (理化学研究所)

10:00～12:00 一般講演 I

座長：伊川 友活 (東京理科大学) ／ 井上 梓 (理化学研究所 IMS)

10:00～10:30

O-1 Chromatin reprogramming in mammalian gametogenesis and early development

Wei Xie (School of Life Sciences, Tsinghua University)

10:30～11:00

O-2 Modeling of Human Neurological/Psychiatric Disorders using iPS cells and Genetically Modified Non-Human Primates.

Hideyuki Okano (Department of Physiology, Keio University School of Medicine)

11:00～11:30

O-3 Epigenetic alterations in aged hematopoietic stem cells and age-associated malignancies

Atsushi Iwama (Division of Stem Cell and Molecular Medicine, Center for Stem Cell Biology and Regenerative Medicine, The Institute of Medical Science, The University of Tokyo)

11:30～12:00

O-4 Development and molecular analysis of synthetic lethality by targeting EZH1 and EZH2 in malignant lymphomas

Makoto Yamagishi (Department of Computational Biology and Medical Sciences, Graduate School of Frontier Sciences, The University of Tokyo)

12:10～13:10 ランチョンセミナー1

共催：バイオ・ラッド ラボラトリーズ株式会社

LS-1 エピジェネティクス研究最新アプローチ lncRNA解析 & scATAC-Seq解析

益子 正澄 (バイオ・ラッド ラボラトリーズ 株式会社 ライフサイエンス マーケティング)

八田 幸憲 (バイオ・ラッド ラボラトリーズ 株式会社 ライフサイエンス フィールドアプリケーション)

12:10～13:10 ランチョンセミナー2

共催：日本政府観光局

LS-2 日本政府観光局(JNTO)の国際会議サポートサービスについて

川崎 慶子 (MICEプロモーション 部長)

13:30～14:30 特別講演

座長：田嶋 正二（大阪大学）

Molecular networks regulating the epigenetic programs of mammalian oocytes

Hiroyuki Sasaki (Division of Epigenomics and Development,
Medical Institute of Bioregulation, Kyushu University.)

14:30～15:15 Short talk 1

座長：的場 章悟（理化学研究所 BRC）

14:30～14:45

P-50 Inactivation of ARID1A induces CpG island methylator phenotype in gastric cancers

山田 晴美（国立がん研究センター研究所 エピゲノム解析分野）

14:45～15:00

P-128 Genome-wide establishment of meiotic super-enhancers drives expression of spermatogenesis-specific genes

前澤 創（麻布大学、獣医学部、動物応用科学科）

15:00～15:15

P-29 Dissecting genetic codes of plant epigenomes with convolutional neural network

Tu Ngoc Le（沖縄科学技術大学院大学植物エピジェネティクスユニット）

15:15～15:30 コーヒーブレイク

15:30～16:30 一般講演Ⅱ（スポンサー セッション）

共催：アクティブ・モティフ株式会社

座長：梅原 崇史（理化学研究所 BDR）／川島 茂裕（東京大学）

15:30～16:00

O-5 Chemical control of chromatin signaling in cancer

Michael A. Erb (Department of Chemistry, Scripps Research, La Jolla, CA)

16:00～16:30

O-6 Dynamic regulation of lysine methylation in chromatin and beyond

Fei Lan (Institutes of Biomedical Sciences, Fudan University, Shanghai, China /
Liver Cancer Institute, Zhongshan Hospital, Fudan University, Shanghai, China)

16:30～18:30 ポスター討論

18:30～20:00 懇親会

プログラム 5月29日(水)

9:15～10:45 一般講演Ⅲ

座長：岸 雄介（東京大学）／近藤 隆（理化学研究所 IMS）

9:15～9:45

O-7 Loop extrusion regulates polycomb chromatin domain function

Rob Klose (Department of Biochemistry, University of Oxford, Oxford, UK)

9:45～10:15

O-8 Chromatin-level regulation of neural stem/progenitor cell fate

Yukiko Gotoh (The University of Tokyo)

10:15～10:45

O-9 The MEIOSIN-STR8 complex directs cell cycle switching from mitosis to meiosis to establish the meiotic chromatin

Kei-ichiro Ishiguro (Institute of Molecular Embryology and Genetics, Kumamoto University)

10:45～11:30 Short talk 2

座長：Jafar Sharif (理化学研究所 IMS)

10:45～11:00

P-130 Analyses of novel type of chromatin remodeling factor involved in heterochromatin establishment

越阪部 晃永（グレゴール・メンデル研究所）

11:00～11:15

P-23 Single-cell DNA replication sequencing and its application to studies of early mouse embryonic development

高橋 沙央里（理化学研究所・BDR）

11:15～11:30

P-7 Structural basis for the regulation of DNA methylation maintenance by replication factors

郡 聰実（横浜市立大学生命医科学研究所）

11:30～12:00 総会

12:10～13:10 ランチョンセミナー3

共催：株式会社 Rhelixa

LS-3 DNAメチル化と遺伝子発現の統合データ解析に基づくエピゲノム研究支援

仲木 竜（株式会社 Rhelixa）

渡辺 亮（京都大学 iPS細胞研究所）

12:10～13:10 ランチョンセミナー4

共催：モノクローナル抗体研究所

座長：磯野 協一（和歌山県立医科大学）

LS-4 最近の遺伝子コード型細胞内抗体プローブ事情

小布施 力史（大阪大学・大学院理学研究科・生物科学専攻）

木村 宏（東京工業大学 科学技術創成研究院 細胞制御工学研究センター）

13:15～14:15 ポスター討論（ディスカッション）

14:30～15:30 一般講演IV

座長：中山 潤一（基生研）／平谷 伊智朗（理化学研究所 BDR）

14:30～15:00

O-10 Structural studies of the chromatin: Towards the understanding of epigenetics

Hitoshi Kurumizaka (Laboratory of Chromatin Structure and Function, Institute for Quantitative Biosciences, The University of Tokyo)

15:00～15:30

O-11 Regulation of large-scale chromatin architecture by a SAF-A/RNA gel

Ryu-Suke Nozawa (MRC Human Genetics Unit, University of Edinburgh / Division of Experimental Pathology, Cancer Institute of the Japanese Foundation for Cancer Research)

15:30～15:40 獎励賞授賞式

15:40～16:25 獎励賞講演

座長：眞貝 洋一（理化学研究所）／副島 英伸（佐賀大学）

15:40～15:55

A-1 Structural study of transcription on chromatin

Tomoya Kujirai (Laboratory of Chromatin Structure and Function, IQB, The University of Tokyo / RIKEN Center for Biosystems Dynamics Research)

15:55～16:10

A-2 Analysis for transcriptional regulation mechanism of transposon-like elements in plants

Yoko Ikeda (Institute of Plant Science and Resources, Okayama University.)

16:10～16:25

A-2 The evolution of gene body methylation in plant species.

Shohei Takuno (Department of Evolutionary Studies of Biosystems, SOKENDAI (The Graduate University for Advanced Studies))

16:25～16:55 次回年会長講演

座長：眞貝 洋一（理化学研究所）／副島 英伸（佐賀大学）

Roles of long non-coding RNAs in Human Cancers

Yutaka Kondo (Division of Cancer Biology, Nagoya University Graduate School of Medicine.)

16:55～ 閉会挨拶

古関 明彦（理化学研究所）